

WES VISION DISORDERS DG 3.6

<i>Gene</i>	<i>Median coverage</i>	<i>% covered >10x</i>	<i>% covered >20x</i>	<i>OMIM disease ID</i>
ABCA4	125.7	100.0	100.0	604116;601718;248200;153800
ABCB6	123.2	100.0	100.0	614497
ABCC6	122.3	100.0	100.0	177850;264800
ABHD12	130.6	100.0	100.0	612674
ACBD5	138.7	100.0	100.0	-
ACO2	124.7	100.0	100.0	616289
ADAM9	148.5	100.0	100.0	612775
ADAMTS18	133.4	100.0	100.0	615458
ADAMTSL4	119.0	100.0	100.0	225200
ADGRV1	145.9	100.0	100.0	605472
ADIPOR1	117.3	100.0	100.0	-
AFG3L2	134.1	100.0	100.0	618977
AGBL1	132.8	99.8	99.6	615523
AGBL5	118.6	100.0	100.0	617023
AGK	127.8	91.7	91.7	614691
AHI1	151.3	100.0	100.0	608629
AHR	149.5	100.0	100.0	618345
AIPL1	144.0	100.0	100.0	604393
ALDH18A1	131.6	100.0	100.0	616603;219150
ALDH1A3	139.5	100.0	100.0	615113
ALDH3A2	137.0	93.5	93.5	270200
ALMS1	146.3	100.0	100.0	203800
AMACR	152.1	100.0	100.0	614307
ANK3	143.8	100.0	99.9	No OMIM phenotype
AP3B1	148.8	100.0	100.0	608233

AP3D1	125.0	100.0	100.0	617050
ARHGEF18	133.5	100.0	100.0	617433
ARL13B	152.1	100.0	100.0	612291
ARL2	123.7	100.0	100.0	619082
ARL2BP	146.6	100.0	100.0	615434
ARL3	127.7	100.0	100.0	618173
ARL6	154.9	100.0	100.0	613575;209900
ARR3	108.7	100.0	100.0	301010
ARSG	123.9	100.0	100.0	618144
ASB10	135.7	100.0	100.0	603383
ASPH	146.3	99.9	99.5	601552
ASRGL1	136.5	100.0	100.0	-
ATF6	138.3	100.0	100.0	616517
ATOH7	108.7	100.0	100.0	221900
B3GLCT	138.8	100.0	100.0	261540
BBIP1	146.2	100.0	100.0	615995
BBS1	129.7	100.0	100.0	209900
BBS10	164.7	100.0	100.0	615987
BBS12	159.4	100.0	100.0	615989
BBS2	140.2	100.0	100.0	615981;616562
BBS4	140.2	100.0	100.0	615982
BBS5	157.3	100.0	100.0	615983
BBS7	154.5	100.0	100.0	615984
BBS9	136.7	95.8	95.8	615986
BCOR	94.2	100.0	99.8	300166
BEST1	119.2	100.0	100.0	608161;613194;193220;611809;153700
BFSP1	119.6	100.0	100.0	611391
BFSP2	125.5	100.0	100.0	611597
BLOC1S3	184.0	100.0	100.0	614077
BLOC1S5	142.0	100.0	100.0	619172

BLOC1S6	151.7	100.0	100.0	614171
BMP4	129.1	100.0	100.0	607932
BMPR1B	139.0	100.0	100.0	No OMIM phenotype
C12orf65	113.7	100.0	100.0	613559;615035
C19orf12	104.9	100.0	99.9	614298
C1QTNF5	199.1	100.0	100.0	605670
C8orf37	149.7	100.0	100.0	617406;614500
CABP4	128.3	100.0	100.0	610427
CACNA1F	96.2	100.0	100.0	300071;300476;300600
CACNA2D4	127.9	100.0	100.0	610478
CAPN5	121.9	100.0	100.0	193235
CBS	179.7	100.0	100.0	236200
CC2D2A	138.0	98.2	98.2	612284;216360;612285
CCT2	151.8	100.0	100.0	-
CDH2	139.6	100.0	100.0	618929
CDH23	124.2	100.0	100.0	601067
CDH3	128.4	100.0	100.0	601553;225280
CDH4	127.2	100.0	100.0	No OMIM phenotype
CDHR1	126.4	100.0	100.0	613660
CDK10	128.8	100.0	100.0	-
CDON	135.3	100.0	100.0	No OMIM phenotype
CEP120	150.7	100.0	100.0	616300
CEP164	121.1	100.0	100.0	614845
CEP250	111.1	100.0	100.0	618358
CEP290	155.2	100.0	100.0	611134;615991;611755;610189;610188
CEP41	150.6	100.0	100.0	614464
CEP78	143.0	100.0	100.0	617236
CEP83	149.0	100.0	100.0	615862
CERKL	155.4	98.8	98.4	608380
CFAP410	141.1	100.0	100.0	617547

CFH	165.1	100.0	100.0	126700
CHD7	133.9	100.0	100.0	214800
CHM	108.6	99.0	97.7	303100
CHMP4B	121.4	100.0	100.0	605387
CHN1	143.5	96.5	96.5	604356
CHRD1	103.8	100.0	99.9	309300
CHST6	184.3	100.0	100.0	217800
CIB2	113.7	100.0	99.9	614869
CISD2	162.2	100.0	100.0	604928
CLCC1	128.9	100.0	100.0	-
CLDN19	139.3	100.0	100.0	248190
CLEC3B	131.0	100.0	100.0	619977
CLN3	121.1	93.2	93.1	204200
CLN5	135.3	83.1	83.0	256731
CLN6	141.1	100.0	100.0	601780
CLN8	131.1	100.0	100.0	600143
CLRN1	150.5	100.0	100.0	276902;614180
CLUAP1	135.9	100.0	100.0	204000
CNGA1	136.0	91.2	91.2	613756
CNGA3	123.8	100.0	100.0	216900
CNGB1	122.7	100.0	100.0	613767
CNGB3	149.9	100.0	100.0	262300;248200
CNNM4	119.7	100.0	100.0	217080
COA8	146.3	100.0	99.9	220110
COL11A1	152.4	100.0	100.0	154780;604841
COL17A1	128.9	100.0	100.0	122400
COL18A1	143.3	100.0	100.0	267750
COL25A1	150.9	99.4	99.4	616219
COL2A1	126.1	100.0	100.0	108300
COL4A1	136.3	100.0	100.0	175780

COL8A2	125.3	100.0	100.0	136800;609140
COL9A1	143.6	100.0	100.0	614134
COL9A2	130.7	100.0	100.0	614284
COL9A3	141.1	100.0	100.0	-
COX7B	111.1	100.0	99.9	300887
CPAMD8	129.5	100.0	100.0	617319
CPLANE1	151.7	100.0	100.0	614615
CPSF1	127.3	100.0	100.0	618827
CRB1	158.4	100.0	100.0	613835;172870;600105
CRX	110.6	100.0	100.0	613829;120970
CRYAA	198.1	100.0	100.0	604219
CRYAB	133.2	100.0	100.0	613763
CRYBA1	124.1	100.0	100.0	600881
CRYBA2	120.0	100.0	100.0	115900
CRYBA4	118.7	100.0	100.0	610425
CRYBB1	144.5	100.0	100.0	611544
CRYBB2	112.4	100.0	100.0	601547
CRYBB3	120.9	100.0	100.0	609741
CRYGB	129.9	100.0	100.0	615188
CRYGC	128.3	100.0	100.0	604307
CRYGD	122.8	100.0	100.0	115700
CRYGS	126.1	100.0	100.0	116100
CSPP1	142.8	100.0	100.0	615636
CTDP1	146.5	100.0	100.0	604168
CTNNA1	128.1	100.0	100.0	608970
CTNNB1	145.5	100.0	100.0	617272
CTSD	143.8	100.0	100.0	610127
CTSH	132.7	100.0	100.0	-
CWC27	143.4	100.0	100.0	250410
CYP1B1	120.7	100.0	100.0	231300

CYP4V2	148.2	100.0	100.0	210370
DCN	137.7	95.1	95.1	610048
DCT	124.3	100.0	100.0	619165
DDHD1	143.6	100.0	100.0	-
DDX58	137.3	100.0	100.0	616298
DHDDS	129.5	94.4	94.4	613861
DHX38	128.4	100.0	100.0	618220
DKC1	105.8	100.0	100.0	305000
DNAJC30	142.0	100.0	100.0	619382
DNM1L	142.0	100.0	100.0	610708
DNMBP	130.7	100.0	100.0	618415
DRAM2	156.6	100.0	100.0	616502
DTNBP1	125.3	100.0	100.0	614076
DYNC2H1	152.6	99.8	99.4	613091
EFEMP1	145.9	100.0	100.0	126600
ELOVL1	125.5	100.0	100.0	618527
ELOVL4	151.2	100.0	100.0	600110
EMC1	126.3	100.0	100.0	616875
EPG5	129.6	100.0	100.0	242840
EPHA2	129.0	100.0	100.0	116600
ERCC2	127.7	100.0	100.0	601675
ERCC3	133.3	100.0	100.0	616390;610651
ERCC6	143.9	100.0	100.0	278800;214150;133540
ERCC8	157.3	100.0	100.0	216400
EXOSC2	120.4	100.0	100.0	617763
EYA1	145.7	100.0	100.0	602588;113650
EYS	157.8	100.0	99.9	602772
FA2H	135.3	100.0	100.0	612319
FAM161A	142.0	100.0	100.0	606068
FBN1	149.7	100.0	100.0	154700

FBXW11	140.7	100.0	100.0	618914
FDXR	130.0	100.0	100.0	617717
FLVCR1	145.8	100.0	100.0	609033
FOXC1	156.9	100.0	100.0	602482;601631
FOXE3	168.0	100.0	99.4	612968;610256
FREM1	136.0	100.0	100.0	248450
FRMD7	111.4	99.9	99.2	310700
FTL	86.4	100.0	100.0	600886
FYCO1	116.6	100.0	100.0	610019
FZD4	146.7	100.0	100.0	133780
GALK1	146.7	100.0	100.0	230200
GALM	116.1	100.0	100.0	-
GALT	130.4	100.0	100.0	230400
GCNT2	149.3	100.0	100.0	116700
GDF3	113.0	100.0	100.0	613704;613703
GDF6	158.5	100.0	100.0	613094;615360
GDPD1	151.2	100.0	100.0	600852
GFER	138.3	100.0	100.0	613076
GJA1	163.4	100.0	100.0	257850;164200
GJA3	155.2	100.0	100.0	601885
GJA8	107.9	100.0	100.0	116200
GNAT1	117.6	100.0	100.0	616389;610444
GNAT2	138.0	100.0	100.0	613856
GNB3	124.2	100.0	100.0	617024
GNPTG	123.2	100.0	100.0	252605
GPR143	95.8	100.0	99.9	300814;300500
GPR179	121.6	100.0	100.0	614515
GRHL2	131.5	100.0	100.0	618031
GRK1	116.3	100.0	100.0	613411
GRM6	141.1	100.0	100.0	257270

GSN	129.9	100.0	100.0	105120
GUCA1A	138.0	100.0	100.0	602093
GUCA1B	126.0	100.0	100.0	613827
GUCY2D	155.3	100.0	100.0	204000;601777
HARS1	132.1	100.0	100.0	614504
HCCS	109.1	100.0	100.0	309801
HGSNAT	125.4	92.4	92.4	252930;616544
HK1	125.4	100.0	100.0	617460
HKDC1	128.6	100.0	100.0	619614
HMX1	149.4	100.0	100.0	612109
HPS1	136.7	100.0	100.0	203300
HPS3	147.0	100.0	100.0	614072
HPS4	133.6	100.0	100.0	614073
HPS5	138.5	100.0	100.0	614074
HPS6	126.4	100.0	100.0	614075
HRAS	157.5	100.0	100.0	218040
HSF4	140.2	100.0	100.0	116800
HSPG2	131.6	100.0	100.0	255800
IDH3A	145.8	100.0	100.0	619007
IDH3B	147.3	100.0	100.0	612572
IFT140	135.5	100.0	100.0	266920;617781
IFT172	131.1	100.0	100.0	615630;616394
IFT27	121.7	100.0	100.0	615996
IFT43	133.8	100.0	100.0	617871
IFT52	134.3	100.0	100.0	617102
IFT74	150.5	100.0	100.0	619582
IFT81	134.4	94.9	94.9	-
IGBP1	100.0	100.0	99.9	300472
IGSF3	136.4	100.0	100.0	149700
IKBKG	91.0	99.9	98.4	308300

IMPDH1	137.9	100.0	100.0	180105;613837
IMPG1	143.1	100.0	99.8	616151
IMPG2	140.3	100.0	100.0	613581;616152
INPP5E	146.5	100.0	100.0	610156;213300
INVS	121.7	100.0	100.0	-
IQCB1	141.0	100.0	100.0	609254
IRX1	149.1	100.0	99.5	-
ITM2B	140.9	100.0	100.0	616079
ITPR1	128.6	100.0	100.0	206700
JAG1	137.5	100.0	100.0	118450
JAM3	133.7	100.0	100.0	613730
KCNJ13	160.7	100.0	100.0	614186;193230
KCNV2	129.3	100.0	100.0	610356
KERA	157.5	100.0	100.0	217300
KIAA0586	134.8	95.6	95.5	616546
KIAA0753	133.8	100.0	100.0	619476
KIAA1549	123.5	99.9	99.7	618613
KIF11	142.2	100.0	100.0	152950
KIF21A	149.3	100.0	100.0	135700
KIF3B	123.9	100.0	100.0	618955
KIF7	126.6	100.0	99.9	200990
KIZ	149.5	100.0	100.0	615780
KLHL7	151.2	100.0	100.0	612943
KRT12	146.3	100.0	100.0	122100
KRT3	178.3	100.0	100.0	122100
LAMA1	132.7	100.0	100.0	615960
LAMB2	133.8	100.0	100.0	609049
LAMP2	116.5	100.0	100.0	300257
LCA5	160.0	100.0	100.0	604537
LEMD2	140.4	100.0	100.0	212500

LIM2	104.5	100.0	100.0	615277
LMX1B	137.3	100.0	100.0	161200
LOXL3	124.3	100.0	100.0	619781
LRAT	133.8	100.0	100.0	613341
LRIT3	141.2	100.0	100.0	615058
LRMDA	141.5	97.8	97.8	615179
LRP2	137.5	100.0	100.0	222448
LRP5	121.4	100.0	100.0	259770;601813
LRPAP1	136.2	100.0	100.0	615431
LSS	129.2	100.0	100.0	616509
LTBP2	134.3	100.0	100.0	613086
LYST	142.7	100.0	99.8	214500
LZTFL1	144.2	100.0	100.0	615994
MAB21L2	107.4	100.0	100.0	615877
MAF	110.0	93.9	89.9	610202
MAFB	171.3	100.0	100.0	617041
MAK	144.0	100.0	100.0	614181
MAPKAPK3	127.1	100.0	100.0	617111
MCAT	140.5	100.0	100.0	No OMIM phenotype
MERTK	135.2	98.5	98.5	613862
MFN2	121.5	100.0	100.0	601152;609260
MFRP	126.7	100.0	100.0	611040;609549
MFSD8	156.8	100.0	100.0	610951;616170
MIP	125.6	100.0	100.0	615274
MIR184				614303
MIR204				616722
MITF	137.1	99.9	99.7	103470
MKKS	152.8	100.0	100.0	209900
MKS1	148.5	100.0	100.0	615990;249000;617121
MVK	125.9	90.4	90.4	260920;610377

MYO5A	136.3	100.0	100.0	214450
MYO7A	129.2	100.0	100.0	276900
MYOC	122.3	100.0	100.0	137750
NAA10	101.9	100.0	100.0	309800
NBAS	144.1	100.0	99.9	614800
NDP	98.7	100.0	100.0	305390;310600
NDUFB11	78.7	99.7	97.9	300952
NDUFS2	130.1	100.0	100.0	252010
NEK1	151.1	100.0	100.0	263520
NEK2	143.6	95.9	95.9	615565
NEUROD1	129.3	100.0	100.0	-
NHS	101.8	100.0	100.0	302350;302200
NMNAT1	109.5	99.9	97.7	608553
NPHP1	152.1	100.0	100.0	266900;609583
NPHP3	145.9	100.0	100.0	267010
NPHP4	120.4	100.0	100.0	606996
NR2E3	154.2	100.0	100.0	268100;611131
NR2F1	139.0	100.0	99.9	615722
NRL	141.3	100.0	100.0	613750
NYX	112.4	100.0	100.0	310500
OAT	149.0	100.0	100.0	258870
OCA2	145.7	100.0	100.0	203200
OCRL	112.9	100.0	100.0	309000
OFD1	111.2	100.0	100.0	300804;300424
OPA1	148.0	100.0	100.0	125250;165500
OPA3	137.4	100.0	100.0	165300;258501
OPN1LW	103.2	94.8	94.2	303700
OPN1MW	114.2	97.8	94.9	303700
OPTN	134.8	100.0	100.0	137760
OTX2	145.7	100.0	100.0	610125

OVOL2	115.5	100.0	99.9	122000
P3H2	138.3	100.0	100.0	614292
P4HA2	131.4	100.0	100.0	617238
PAK2	122.5	100.0	100.0	618458
PANK2	143.8	100.0	100.0	234200;607236
PANK4	126.6	100.0	100.0	619593
PAX2	131.8	100.0	100.0	120330
PAX6	138.8	100.0	100.0	136520;120200;604229;120430;106210
PCARE	118.2	100.0	100.0	613428
PCDH15	153.3	100.0	100.0	602083;601067
PCYT1A	143.3	100.0	100.0	608940
PDE6A	129.6	100.0	100.0	613810
PDE6B	120.5	100.0	100.0	613801;163500
PDE6C	144.6	100.0	100.0	613093
PDE6D	136.3	100.0	100.0	615665
PDE6G	110.8	100.0	100.0	613582
PDE6H	153.3	100.0	99.9	610024
PDGFRA	133.4	100.0	100.0	No OMIM phenotype
PDZD7	125.6	100.0	99.2	605472
PET100	154.9	100.0	100.0	220110
PEX1	145.2	100.0	100.0	601539;214100
PEX2	165.5	100.0	100.0	614866;614867
PEX26	126.8	100.0	100.0	614872
PEX6	133.9	100.0	100.0	614862
PEX7	139.0	91.2	91.2	215100;614879
PGK1	93.9	100.0	99.7	300653
PHOX2A	110.5	100.0	100.0	602078
PHYH	144.6	100.0	100.0	266500
PIKFYVE	138.1	100.0	100.0	121850
PITX2	113.7	100.0	100.0	137600

PITX3	143.0	100.0	100.0	107250;610623
PLA2G5	125.3	100.0	100.0	228980
PLK4	157.0	100.0	100.0	616171
PNPLA6	123.9	100.0	100.0	215470;275400;245800
POC1B	139.1	100.0	100.0	615973
POC5	139.7	100.0	100.0	-
POLG2	141.0	100.0	100.0	619425
POMGNT1	124.8	100.0	100.0	617123
PPT1	138.1	90.3	90.3	256730
PRCD	118.3	100.0	100.0	610599
PRDM13	125.2	100.0	100.0	136550
PRDM5	149.7	100.0	100.0	614170
PRDX3	122.0	100.0	100.0	619871
PRIMPOL	141.6	100.0	100.0	615421
PROM1	142.3	100.0	100.0	608051;612657;603786;612095
PRPF3	126.2	100.0	100.0	601414
PRPF31	130.1	100.0	100.0	600138
PRPF4	128.9	100.0	100.0	615922
PRPF6	113.0	100.0	100.0	613983
PRPF8	124.3	100.0	100.0	600059
PRPH2	125.9	100.0	100.0	608161;136880;169150;608133;613105
PRR11	134.7	100.0	100.0	600852
PRR12	123.0	100.0	100.0	619539
PRSS56	166.5	100.0	100.0	613517
PTCHD1	99.5	100.0	99.9	300830
PXDN	134.8	100.0	100.0	269400
RAB28	143.8	100.0	100.0	615374
RAB3GAP2	148.2	100.0	100.0	614225
RARB	131.3	100.0	100.0	615524
RAX	135.6	100.0	100.0	611038

RAX2	163.3	100.0	100.0	610381
RBP3	123.5	100.0	100.0	615233
RBP4	141.9	100.0	100.0	615147;616428
RCBTB1	137.0	100.0	100.0	617175
RD3	149.7	100.0	100.0	610612
RDH11	122.8	100.0	100.0	616108
RDH12	129.0	100.0	100.0	612712
RDH5	128.5	100.0	100.0	136880
REEP6	122.1	100.0	100.0	617304
RGS9	142.5	100.0	100.0	608415
RGS9BP	137.6	100.0	100.0	608415
RHO	119.5	100.0	100.0	610445;613731
RIMS1	141.2	100.0	100.0	603649
RIMS2	141.1	100.0	99.9	618970
RLBP1	131.3	100.0	100.0	607476;607475;136880
ROM1	114.9	100.0	100.0	608133
RP1	149.8	100.0	100.0	180100
RP1L1	136.1	100.0	100.0	613587;618826
RP2	105.8	100.0	100.0	312600
RP9	138.3	100.0	100.0	180104
RPE65	155.1	100.0	100.0	204100;613794;618697
RPGR	99.2	98.8	95.0	304020;300455;300834;300029
RPGRIP1	125.9	100.0	100.0	613826;608194
RPGRIP1L	147.0	100.0	100.0	216360;611560;611561
RS1	94.0	100.0	100.0	312700
RTN4IP1	132.2	100.0	100.0	616732
SAG	140.1	100.0	100.0	613758;258100
SALL2	122.7	100.0	100.0	216820
SAMD11	145.8	100.0	100.0	-
SC5D	149.4	100.0	100.0	607330

SCAPER	141.2	100.0	100.0	618195
SCO2	125.5	100.0	100.0	608908
SDCCAG8	146.8	100.0	100.0	613615
SEMA4A	123.4	100.0	100.0	610282;610283
SGSH	139.1	100.0	100.0	252900
SH3BP2	112.5	99.9	99.4	118400
SHH	145.6	100.0	100.0	611638
SIL1	134.7	100.0	100.0	248800
SIPA1L3	136.0	100.0	100.0	616851
SIX6	125.3	100.0	100.0	212550
SLC16A12	136.8	100.0	100.0	612018
SLC24A1	137.3	100.0	100.0	613830
SLC24A5	164.4	100.0	99.6	113750
SLC25A46	158.4	100.0	100.0	616505
SLC33A1	133.1	100.0	100.0	614482
SLC37A3	124.3	100.0	100.0	No OMIM phenotype
SLC38A8	121.0	100.0	100.0	609218
SLC39A12	137.3	100.0	100.0	No OMIM phenotype
SLC39A5	118.9	100.0	100.0	615946
SLC45A2	131.2	100.0	100.0	606574
SLC4A11	135.4	100.0	100.0	217700;613268;217400
SLC4A7	144.7	100.0	100.0	No OMIM phenotype
SLC52A2	172.5	100.0	100.0	614707
SLC66A1	128.0	100.0	100.0	No OMIM phenotype
SLC7A14	130.1	100.0	100.0	615725
SLITRK6	167.7	100.0	100.0	221200
SMG8	125.8	100.0	100.0	600852
SMOC1	132.2	100.0	100.0	206920
SNRNP200	125.6	100.0	100.0	610359
SOX2	135.3	100.0	100.0	206900

SOX5	134.1	100.0	99.8	616803
SPATA7	160.1	100.0	100.0	604232
SPG7	136.4	100.0	100.0	607259
SPP2	129.9	100.0	100.0	-
SSBP1	149.8	100.0	100.0	165510
STRA6	131.0	100.0	100.0	601186
STX3	134.8	100.0	100.0	619446
TACSTD2	127.8	100.0	100.0	204870
TBC1D2B	119.7	99.9	99.6	619323
TCTN1	140.1	95.4	94.0	614173
TCTN2	135.5	100.0	100.0	613885;616654
TCTN3	141.7	100.0	100.0	614815
TDRD7	144.1	100.0	100.0	613887
TEAD1	140.7	100.0	100.0	108985
TEK	130.4	100.0	99.9	617272
TENM3	137.3	100.0	100.0	615145
TFAP2A	131.0	100.0	100.0	113620
TFPT	118.5	100.0	100.0	600138
TGFBI	138.0	100.0	100.0	122200;121900;602082;608470;607541;608471;121820
TIMM8A	80.5	100.0	99.5	304700;311150
TIMP3	132.2	100.0	100.0	136900
TLCD3B	119.5	100.0	100.0	619531
TMCO3	140.3	100.0	100.0	-
TMEM126A	162.2	100.0	100.0	612989
TMEM138	164.8	100.0	100.0	614465
TMEM216	123.1	100.0	100.0	608091
TMEM218	160.2	100.0	100.0	619562
TMEM231	138.5	100.0	100.0	615397;614970
TMEM237	154.8	100.0	100.0	614424
TMEM67	147.4	99.5	97.5	607361;610688;216360

TMEM98	125.8	100.0	100.0	615972
TOGARAM1	143.9	100.0	100.0	619185
TOPORS	148.4	100.0	100.0	609923
TPP1	133.0	100.0	100.0	204500
TRAF3IP1	134.9	100.0	100.0	616629
TREX1	142.6	100.0	100.0	192315
TRIM32	121.3	100.0	100.0	615988
TRNT1	152.6	100.0	100.0	616959
TRPM1	140.1	100.0	100.0	613216
TSPAN12	154.6	100.0	100.0	613310
TTC8	148.4	100.0	99.9	613464;615985
TTLL5	136.7	100.0	100.0	615860
TUB	133.0	100.0	100.0	616188
TUBA3D	218.5	100.0	100.0	617928
TUBB3	234.0	100.0	100.0	600638
TUBB4B	237.0	100.0	100.0	617879
TUBGCP4	132.3	100.0	100.0	616335
TUBGCP6	138.1	100.0	100.0	251270
TULP1	125.3	100.0	100.0	600132;613843
TWNK	117.5	100.0	100.0	606075;609286;271245
TYR	145.5	100.0	99.9	203100;103470;606952
TYRP1	147.6	100.0	100.0	203290
UBIAD1	138.9	100.0	100.0	121800
UCHL1	154.7	100.0	100.0	615491
UNC45B	118.5	100.0	100.0	616279
USH1C	120.2	100.0	100.0	276904
USH1G	117.8	100.0	100.0	606943
USH2A	144.6	99.9	99.6	613809;276901
USP45	149.1	100.0	100.0	618513
VAX1	107.9	99.9	99.1	614402

VCAN	148.7	100.0	100.0	143200
VHL	147.2	100.0	100.0	171300;193300
VIM	144.1	100.0	100.0	116300
VPS13B	138.4	99.6	99.2	216550
VSX1	156.1	100.0	100.0	148300
VSX2	125.0	100.0	100.0	610092;610093
WDPCP	140.7	97.5	97.3	615992
WDR19	140.1	100.0	100.0	616307;614378;614376
WDR34	133.7	100.0	100.0	615633
WDR36	151.7	100.0	100.0	609887
WDR73	115.6	100.0	100.0	251300
WFS1	129.4	100.0	100.0	222300;116400;614296
WHRN	140.7	100.0	100.0	611383
WRN	149.0	100.0	100.0	277700
YAP1	149.2	100.0	100.0	120433
YARS1	124.4	100.0	100.0	619418
YME1L1	145.6	100.0	100.0	617302
YPEL2	138.0	100.0	100.0	600852
ZEB1	147.7	99.9	99.1	609141;613270
ZNF408	125.4	100.0	100.0	616469;616468
ZNF423	119.7	100.0	100.0	614844
ZNF469	129.8	100.0	100.0	229200
ZNF513	134.6	100.0	100.0	613617
ZNF644	154.9	100.0	100.0	614167

Gene symbols used follow HGNC guidelines: Gray KA, Yates B, Seal RL, Wright MW, Bruford EA. Nucleic Acids Res. 2015 Jan 43(Database issue):D1079-85.

TWIST is the default chemistry for all WES samples. Agilent V5 was the default chemistry until Q3 2021.

Median Coverage describes the average number of reads seen across 50 exomes.

Covered 10x describes the percentage of a gene's coding sequence that is covered at least 10x.

Covered 20x describes the percentage of a gene's coding sequence that is covered at least 20x.

Genes with no value for coverage are non protein coding genes.

Non protein coding genes are covered, but as coverage statistics are based on protein coding regions, statistics could not be generated.

OMIM release used for OMIM disease identifiers and descriptions: September 1st, 2021.

EAS.GenProductCoverage.pdf.footer.ad01