

WES PRIMARY IMMUNODEFICIENCIES DG 3.4

<i>Gene</i>	<i>Median coverage</i>	<i>% covered >10x</i>	<i>% covered >20x</i>	<i>OMIM disease ID</i>
ACD	220.7	100.0	100.0	616553
ACP5	194.7	100.0	100.0	607944
ACTB	292.9	100.0	100.0	243310
ADA	165.7	100.0	100.0	102700
ADA2	164.5	100.0	100.0	615688
ADAM17	153.3	100.0	100.0	614328
ADAR	187.0	100.0	100.0	615010
AGA	159.4	100.0	100.0	208400
AICDA	169.0	100.0	100.0	605258
AIRE	192.6	100.0	100.0	240300
AK2	156.1	100.0	100.0	267500
ALG13	147.9	100.0	99.9	300884
ALPI	268.7	100.0	100.0	-
ANGPT1	154.2	100.0	100.0	619361
AP1S3	163.1	90.5	90.5	616106
AP3B1	145.9	100.0	100.0	608233
AP3D1	180.5	100.0	100.0	617050
APOL1	186.8	100.0	100.0	-
ARHGEF1	197.3	100.0	100.0	618459
ARPC1B	180.2	100.0	100.0	617718
ATG4A	143.6	100.0	99.9	No OMIM phenotype
ATM	164.8	100.0	100.0	208900
ATP6AP1	182.5	100.0	100.0	300972
B2M	253.5	100.0	100.0	241600
BACH2	221.5	100.0	100.0	618394

BCL10	196.1	100.0	100.0	616098
BCL11B	249.8	100.0	99.9	617237
BLK	184.5	100.0	100.0	613375
BLM	173.6	100.0	100.0	210900
BLNK	149.6	100.0	100.0	613502
BLOC1S6	153.4	100.0	100.0	614171
BTK	158.0	100.0	100.0	307200
C1QA	225.4	100.0	100.0	613652
C1QB	187.6	100.0	100.0	613652
C1QC	262.4	100.0	100.0	613652
C1R	193.5	100.0	99.1	216950
C1S	171.2	99.9	99.2	613783
C2	286.5	100.0	100.0	217000
C2orf69	164.5	100.0	100.0	619423
C3	177.7	100.0	100.0	613779
C5	141.5	100.0	100.0	609536
C6	163.1	100.0	100.0	612446
C7	159.0	100.0	100.0	610102
C8A	182.1	100.0	100.0	613790
C8B	174.1	100.0	100.0	613789
C8G	183.3	100.0	100.0	-
C9	163.1	100.0	100.0	613825
CA2	158.4	100.0	100.0	259730
CARD10	198.6	100.0	100.0	619632
CARD11	205.8	100.0	100.0	616452;615206;617638
CARD14	196.3	100.0	100.0	173200;602723
CARD9	214.5	100.0	100.0	212050
CARMIL2	189.1	100.0	100.0	618131
CASP10	162.9	100.0	100.0	603909
CASP8	168.6	95.6	95.6	607271

CAVIN1	217.0	100.0	100.0	613327
CCBE1	168.7	100.0	100.0	235510
CD19	180.0	100.0	100.0	613493
CD247	163.4	100.0	100.0	610163
CD27	165.2	100.0	100.0	615122
CD28	178.5	100.0	100.0	No OMIM phenotype
CD3D	158.8	100.0	100.0	608971
CD3E	161.9	100.0	100.0	608971
CD3G	155.7	100.0	100.0	615607
CD4	162.9	100.0	100.0	619238
CD40	183.9	100.0	100.0	606843
CD40LG	159.3	100.0	100.0	308230
CD46	152.3	100.0	100.0	612922
CD48	168.5	100.0	100.0	-
CD55	139.5	95.9	93.9	613793
CD59	107.3	64.5	64.5	612300
CD70	200.9	100.0	100.0	618261
CD79A	218.0	100.0	100.0	613501
CD79B	204.9	100.0	100.0	612692
CD81	195.3	100.0	100.0	613496
CD8A	204.3	100.0	100.0	608957
CDC42	137.2	100.0	100.0	616737
CDCA7	156.4	100.0	100.0	616910
CDKN2B	293.3	100.0	100.0	-
CEBPE	219.3	100.0	100.0	245480
CFB	235.1	100.0	100.0	612924
CFD	276.8	100.0	100.0	613912
CFH	165.5	100.0	100.0	609814
CFI	163.9	100.0	100.0	610984
CFP	205.3	100.0	100.0	312060

CFTR	155.5	100.0	100.0	211400;167800;219700
CHD7	185.7	100.0	100.0	214800
CIB1	174.3	100.0	100.0	618267
CIITA	217.7	100.0	100.0	209920
CLCN7	203.7	100.0	100.0	166600;611490
CLEC4D	131.0	100.0	100.0	-
CLEC7A	181.6	100.0	100.0	613108
CLPB	167.7	100.0	100.0	616271
COLEC11	215.7	100.0	100.0	265050
COPA	158.8	100.0	100.0	616414
CORO1A	201.0	100.0	100.0	615401
CR2	171.0	100.0	100.0	614699
CRACR2A	170.2	100.0	100.0	-
CREBBP	224.8	100.0	100.0	180849
CSF2RA	111.7	96.0	92.4	300770
CSF2RB	218.0	100.0	100.0	614370
CSF3R	213.3	100.0	100.0	617014;162830
CTC1	179.7	100.0	100.0	612199
CTLA4	195.3	100.0	100.0	616100
CTNBL1	162.8	100.0	100.0	-
CTPS1	144.5	93.0	93.0	615897
CTSC	176.9	100.0	100.0	170650
CXCR4	197.1	100.0	100.0	193670
CYBA	199.7	100.0	100.0	233690
CYBB	156.6	100.0	100.0	300645
CYBC1	227.7	100.0	100.0	618935
DBF4	153.7	100.0	100.0	No OMIM phenotype
DBR1	165.5	100.0	100.0	619441
DCLRE1C	167.9	100.0	100.0	602450
DDX41	188.7	100.0	100.0	616871

DDX58	152.6	100.0	100.0	616298
DEF6	176.6	100.0	100.0	619573
DHFR	148.6	100.0	100.0	613839
DIAPH1	155.5	100.0	100.0	616632;124900
DKC1	141.1	100.0	100.0	305000
DNASE1	192.2	100.0	100.0	152700
DNASE1L3	154.7	100.0	100.0	614420
DNASE2	188.4	100.0	100.0	-
DNMT3B	185.3	100.0	100.0	242860
DOCK2	153.8	100.0	100.0	616433
DOCK8	161.5	100.0	100.0	243700
ELANE	284.4	100.0	100.0	202700;162800
ELF4	211.3	100.0	100.0	307200
EPG5	167.5	100.0	100.0	242840
ERCC2	211.5	100.0	100.0	601675
ERCC3	195.9	100.0	100.0	601675
EXTL3	212.5	100.0	100.0	617425
F12	223.0	100.0	100.0	610618;234000
FAAP24	176.3	100.0	100.0	-
FADD	180.6	100.0	100.0	613759
FAS	186.4	100.0	100.0	601859
FASLG	226.4	100.0	100.0	601859
FAT4	196.8	100.0	100.0	616006
FBXW11	154.8	100.0	100.0	618914
FCGR3A	223.1	100.0	100.0	152700
FCHO1	189.1	100.0	100.0	619164
FCN3	155.8	100.0	100.0	613860
FERMT1	151.2	100.0	100.0	173650
FERMT3	221.3	100.0	100.0	612840
FNIP1	161.5	100.0	100.0	619705

FOXN1	218.5	100.0	100.0	601705;618806
FOXP3	190.6	100.0	100.0	304790
FPR1	221.2	100.0	100.0	-
G6PC	179.0	100.0	100.0	232200
G6PC3	172.4	100.0	100.0	612541
G6PD	199.7	100.0	100.0	305900
GATA2	247.0	100.0	100.0	614172
GFI1	218.0	100.0	100.0	607847;613107
GIMAP5	229.5	100.0	100.0	-
GINS1	150.3	100.0	100.0	617827
GJC2	185.7	99.9	99.5	613480
GRHL2	169.7	100.0	100.0	616029
GTF2H5	117.9	72.5	72.5	601675
HAVCR2	172.0	100.0	100.0	618398
HAX1	179.1	100.0	100.0	610738
HELLS	144.5	100.0	100.0	616911
HMOX1	195.4	100.0	100.0	614034
HS3ST6	235.3	100.0	99.6	619367
HYOU1	180.5	100.0	100.0	233600
ICOS	146.5	100.0	100.0	607594
ICOSLG	312.8	100.0	100.0	-
IFIH1	165.7	100.0	100.0	615846;182250;619773
IFNAR1	131.5	97.8	97.8	-
IFNAR2	166.8	100.0	100.0	616669
IFNG	149.5	100.0	100.0	No OMIM phenotype
IFNGR1	162.2	100.0	100.0	615978;209950
IFNGR2	195.7	100.0	100.0	614889
IGHM	216.9	100.0	100.0	601495
IGLL1	239.1	100.0	100.0	613500
IKBKB	161.7	100.0	100.0	615592;618204

IKBKG	187.2	100.0	100.0	300291;300291;308300
IKZF1	206.8	100.0	100.0	616873
IKZF3	175.7	100.0	100.0	No OMIM phenotype
IL10	181.8	100.0	100.0	609423
IL10RA	203.5	100.0	100.0	613148
IL10RB	152.4	100.0	100.0	612567
IL12B	163.8	100.0	100.0	209950
IL12RB1	169.0	94.1	94.1	209950
IL17F	171.7	100.0	100.0	613956
IL17RA	212.1	100.0	100.0	613953
IL17RC	203.0	100.0	100.0	616445
IL18BP	199.7	100.0	100.0	618549
IL1RN	163.7	100.0	100.0	612852
IL2	156.3	100.0	100.0	613011
IL21	163.0	100.0	100.0	615767
IL21R	208.8	100.0	100.0	615207
IL2RA	161.5	100.0	100.0	606367
IL2RB	194.9	100.0	100.0	618495
IL2RG	165.1	100.0	100.0	312863
IL36RN	174.1	100.0	100.0	614204
IL6R	166.3	92.7	92.7	614752;614689
IL6ST	164.7	100.0	100.0	618523,619752,619750,619751
IL7R	205.1	100.0	100.0	608971
INO80	155.5	100.0	100.0	-
INSR	167.7	100.0	100.0	246200
IPO8	148.6	100.0	100.0	619472
IRAK1	185.2	100.0	100.0	-
IRAK4	157.1	100.0	100.0	610799
IRF2BP2	193.6	100.0	100.0	617765
IRF3	215.6	100.0	100.0	616532

IRF4	209.0	100.0	100.0	611724
IRF7	305.3	100.0	100.0	616345
IRF8	195.4	100.0	100.0	614893;614894
IRF9	195.3	100.0	100.0	618648
IRGM	201.4	100.0	100.0	612278;607948
ISG15	239.1	100.0	100.0	616126
ITCH	149.7	95.6	93.9	613385
ITGB2	181.3	97.2	97.2	116920
ITK	171.3	100.0	100.0	613011
ITPKB	218.3	100.0	100.0	No OMIM phenotype
ITPR3	177.0	100.0	100.0	No OMIM phenotype
IVNS1ABP	164.1	100.0	100.0	618969
JAGN1	170.0	100.0	99.8	616022
JAK1	182.5	100.0	100.0	618999
JAK2	156.9	100.0	100.0	614521
JAK3	226.6	100.0	100.0	600802
KDM6A	167.6	100.0	100.0	300867
KMT2D	227.9	100.0	100.0	147920
KNG1	167.4	100.0	100.0	619363
KRAS	158.7	100.0	100.0	614470
LACC1	165.1	100.0	100.0	618795
LAMTOR2	166.1	100.0	100.0	610798
LAT	203.8	100.0	100.0	617514
LCK	200.3	100.0	100.0	615758
LCP2	157.3	100.0	100.0	619374
LIG1	166.8	100.0	100.0	-
LIG4	173.4	100.0	100.0	602450;606593
LPIN2	158.2	100.0	100.0	609628
LRBA	158.5	100.0	100.0	614700
LRRC32	230.9	100.0	100.0	619074

LRRC8A	218.7	100.0	100.0	613506
LSM11	172.4	100.0	100.0	No OMIM phenotype
LYST	160.3	100.0	100.0	214500
MAGT1	144.5	98.7	98.7	300853
MAL2	153.2	100.0	100.0	-
MALT1	159.0	100.0	100.0	615468
MAN2B1	179.3	100.0	100.0	248500
MAN2B2	196.6	100.0	100.0	No OMIM phenotype
MANBA	162.6	100.0	100.0	248510
MAP1LC3B2	231.7	100.0	100.0	-
MAP3K14	190.7	100.0	100.0	-
MAPK8	147.9	100.0	100.0	-
MASP2	195.4	100.0	100.0	613791
MBL2	189.4	100.0	100.0	614372
MC2R	216.4	100.0	100.0	202200
MCM10	162.3	100.0	100.0	619313
MCM4	152.7	95.5	95.5	609981
MEFV	206.3	96.4	96.4	134610
MOGS	217.2	100.0	100.0	606056
MPEG1	206.3	100.0	100.0	619223
MRTFA	213.1	92.8	92.8	618847
MS4A1	146.7	100.0	100.0	613495
MSN	170.4	100.0	100.0	300988
MTHFD1	167.3	100.0	100.0	617780
MVK	167.2	90.5	90.5	260920
MYD88	236.6	100.0	100.0	612260
MYOF	166.5	100.0	100.0	619366
MYSM1	144.8	96.4	96.4	618116
NBAS	166.8	100.0	100.0	616483
NBN	169.8	100.0	100.0	251260

NCF1	153.6	100.0	100.0	233700
NCF2	159.1	100.0	100.0	233710
NCF4	229.9	100.0	100.0	613960
NCKAP1L	148.0	100.0	100.0	618982
NCSTN	166.7	100.0	100.0	142690
NFAT5	169.9	100.0	100.0	-
NFATC1	227.4	100.0	100.0	-
NFE2L2	202.5	100.0	100.0	617744
NFKB1	154.2	100.0	100.0	616576
NFKB2	203.3	100.0	100.0	615577
NFKBIA	205.2	100.0	100.0	612132
NHEJ1	167.2	100.0	100.0	611291
NHP2	165.6	100.0	100.0	613987
NLRC4	176.1	100.0	100.0	616115;616050
NLRP1	182.2	100.0	100.0	617388;606579
NLRP12	191.3	100.0	100.0	611762
NLRP3	186.9	100.0	100.0	120100;617772;191900;607115
NLRP6	213.1	100.0	100.0	No OMIM phenotype
NLRP7	316.1	100.0	100.0	-
NOD2	201.3	100.0	100.0	186580
NOP10	155.7	100.0	100.0	224230
NOS2	178.7	100.0	100.0	-
NRAS	184.4	100.0	100.0	614470
NSMCE3	285.4	100.0	100.0	617241
OAS1	181.3	100.0	100.0	-
ORAI1	216.6	100.0	100.0	612782
OSTM1	200.0	100.0	100.0	259720
OTULIN	143.8	100.0	100.0	617099
PARN	169.3	89.5	87.8	616353;616371
PAX1	238.0	100.0	100.0	615560

PAX5	203.3	100.0	100.0	615545
PBX1	199.2	100.0	100.0	617641
PCCA	145.6	100.0	100.0	606054
PCCB	149.2	99.9	98.1	606054
PDCD1	294.8	100.0	100.0	605218
PEPD	192.0	100.0	100.0	170100
PEX16	196.0	100.0	100.0	No OMIM phenotype
PGM3	146.9	91.7	91.7	615816
PIGA	168.2	100.0	100.0	300818
PIK3CD	219.1	100.0	100.0	615513
PIK3CG	221.4	100.0	100.0	No OMIM phenotype
PIK3R1	179.4	100.0	100.0	616005
PLCG2	176.1	100.0	100.0	614878;614468
PLEKHM1	289.8	100.0	100.0	611497
PLG	170.5	100.0	100.0	217090
PMM2	144.9	100.0	100.0	212065
PNP	177.3	100.0	100.0	613179
POLA1	137.2	100.0	100.0	301220
POLD1	247.5	100.0	100.0	No OMIM phenotype
POLE2	133.1	100.0	100.0	-
POMP	131.0	100.0	100.0	618048;601952
POT1	145.0	100.0	100.0	615848
POU2AF1	228.7	100.0	100.0	-
PRF1	255.5	100.0	100.0	603553
PRKCD	169.4	100.0	100.0	615559
PRKDC	167.4	100.0	100.0	615966
PRPS1	148.5	100.0	100.0	301835
PSENN	167.2	100.0	100.0	613736
PSMA3	129.9	100.0	100.0	-
PSMB4	176.1	100.0	100.0	617591

PSMB8	251.1	100.0	100.0	256040
PSMB9	235.9	100.0	100.0	617591
PSMG2	163.9	100.0	100.0	619183
PSTPIP1	154.6	100.0	100.0	604416
PTPN22	159.6	100.0	100.0	152700
PTPRC	163.6	100.0	100.0	608971
RAB27A	126.3	100.0	100.0	607624
RAC2	166.9	100.0	100.0	608203;618986;618987
RAG1	212.7	100.0	100.0	609889
RAG2	207.1	100.0	100.0	233650
RANBP2	225.7	100.0	100.0	608033
RASGRP1	172.6	100.0	100.0	618534
RASGRP2	194.7	100.0	100.0	615888
RBCK1	197.8	100.0	100.0	615895
RC3H1	163.5	100.0	100.0	618998
RECQL4	275.2	100.0	100.0	268400
REL	150.7	99.9	98.3	619652
RELA	191.3	100.0	100.0	618287
RELB	188.5	100.0	100.0	617585
RFX5	176.7	100.0	100.0	209920
RFXANK	170.1	100.0	100.0	209920
RFXAP	212.7	100.0	100.0	209920
RGS10	171.6	100.0	100.0	No OMIM phenotype
RHOG	230.4	100.0	100.0	No OMIM phenotype
RHOH	243.4	100.0	100.0	618307
RIPK1	171.1	100.0	100.0	618108
RMRP				250250
RNASEH2A	189.2	100.0	100.0	610333
RNASEH2B	127.0	91.0	91.0	610181
RNASEH2C	242.8	100.0	100.0	610329

RNF168	172.8	100.0	100.0	611943
RNF31	187.6	100.0	100.0	-
RNU4ATAC				210710
RNU7-1				-
RORC	177.7	100.0	100.0	616622
RPA1	156.3	100.0	100.0	No OMIM phenotype
RPSA	149.6	100.0	100.0	271400
RSPH9	192.2	100.0	100.0	612650
RTEL1	204.1	100.0	100.0	615190
SAMD9	169.2	100.0	100.0	610455;617053
SAMD9L	176.9	100.0	100.0	159550
SAMHD1	162.7	100.0	100.0	612952
SASH3	198.3	100.0	100.0	No OMIM phenotype
SBDS	173.0	100.0	100.0	260400
SEC61A1	168.3	100.0	100.0	617056
SEMA3E	161.7	100.0	100.0	214800
SERAC1	147.9	100.0	100.0	614739
SERPING1	202.6	100.0	100.0	120790
SH2B3	204.4	100.0	100.0	-
SH2D1A	141.8	100.0	100.0	308240
SH3BP2	176.5	99.9	99.4	118400
SH3KBP1	157.6	100.0	100.0	300310
SKIV2L	277.3	100.0	100.0	614602
SLC29A3	194.3	100.0	100.0	602782
SLC35A1	154.9	100.0	100.0	603585
SLC35C1	221.2	100.0	100.0	266265
SLC37A4	160.2	100.0	100.0	232220
SLC39A4	238.7	100.0	100.0	201100
SLC39A7	309.4	100.0	100.0	-
SLC46A1	221.9	100.0	100.0	229050

SLC7A7	181.9	100.0	100.0	-
SMARCAL1	177.3	100.0	100.0	242900
SMARCD2	168.4	100.0	100.0	617475
SNORA31				-
SNX10	159.6	100.0	99.9	615085
SOCS1	249.7	100.0	100.0	No OMIM phenotype
SOCS4	174.2	100.0	100.0	-
SP110	162.4	100.0	100.0	235550
SPINK5	140.4	100.0	100.0	256500
SPPL2A	144.9	100.0	100.0	-
SRP54	135.8	100.0	100.0	618752
SRP72	160.4	100.0	100.0	614675
STAT1	144.0	95.6	95.5	614162;613796;614162
STAT2	180.1	100.0	100.0	616636
STAT3	179.7	100.0	100.0	147060;615952
STAT4	153.1	100.0	100.0	612253
STAT5B	181.9	100.0	100.0	245590
STAT6	164.4	100.0	100.0	-
STIM1	182.8	100.0	100.0	612783
STING1	180.9	100.0	100.0	615934
STK4	155.1	100.0	100.0	614868
STX11	282.4	100.0	100.0	603552
STXBP2	248.1	99.8	98.7	613101
SYK	203.1	100.0	100.0	619381
TAP1	304.4	100.0	100.0	604571
TAP2	272.9	100.0	100.0	604571
TAPBP	315.0	96.6	96.6	604571
TAZ	188.0	100.0	100.0	302060
TBX1	158.0	98.1	95.9	602054
TBX21	187.3	100.0	100.0	208550;619630

TCF3	237.2	100.0	100.0	616941
TCIRG1	221.5	100.0	100.0	259700
TCN2	173.3	100.0	100.0	275350
TERC				127550
TERT	259.5	100.0	100.0	613989
TET2	224.3	100.0	100.0	619126;614286
TFRC	154.5	100.0	100.0	616740
TGFB1	209.0	100.0	100.0	618213
THBD	268.2	100.0	100.0	612926
TICAM1	230.8	100.0	100.0	614850
TINF2	174.9	100.0	100.0	613990
TIRAP	228.5	100.0	100.0	607948;614382;610799
TLR3	181.3	100.0	100.0	613002
TLR4	188.2	100.0	100.0	-
TLR5	194.9	100.0	100.0	601744
TLR7	182.3	100.0	100.0	301051
TLR8	157.4	100.0	100.0	No OMIM phenotype
TMC6	205.9	100.0	100.0	226400
TMC8	215.5	100.0	100.0	226400
TNFAIP3	221.9	100.0	100.0	616744
TNFRSF11A	204.3	100.0	99.7	612301
TNFRSF13B	189.6	100.0	100.0	240500
TNFRSF13C	193.2	100.0	100.0	613494
TNFRSF1A	221.4	92.8	92.8	142680
TNFRSF4	233.4	100.0	100.0	615593
TNFRSF9	158.0	100.0	100.0	-
TNFSF11	175.8	100.0	100.0	259710
TNFSF12	217.9	100.0	100.0	-
TNFSF13	166.3	100.0	100.0	-
TOM1	168.5	100.0	100.0	619510

TOP2B	148.4	100.0	100.0	-
TPP2	152.5	100.0	100.0	619220
TRAC	154.9	100.0	100.0	615387
TRAF3	167.1	100.0	100.0	614849
TRAF3IP2	176.6	100.0	100.0	615527
TREX1	263.2	100.0	100.0	225750
TRIM22	189.3	100.0	100.0	-
TRNT1	142.5	100.0	100.0	616084
TTC37	150.9	100.0	100.0	222470
TTC7A	175.0	100.0	100.0	243150
TYK2	219.7	100.0	100.0	611521
UBA1	174.4	100.0	99.8	301054
UNC13D	205.6	100.0	100.0	608898
UNC93B1	196.8	100.0	100.0	610551
UNG	173.8	100.0	100.0	608106
USB1	174.6	100.0	100.0	604173
USP18	203.0	100.0	100.0	617397
VAV1	159.7	97.1	97.1	-
VPS13B	157.1	99.5	99.4	216550
VPS45	147.1	95.3	95.3	615285
WAS	174.2	100.0	100.0	300299
WDR1	182.6	100.0	100.0	150550
WIPF1	194.6	100.0	100.0	614493
WRAP53	205.8	100.0	100.0	613988
XIAP	175.9	100.0	100.0	300635
ZAP70	227.5	100.0	100.0	269840;617006
ZBTB24	194.4	100.0	100.0	614069
ZNF341	196.2	100.0	100.0	618282
ZNFX1	191.7	100.0	100.0	619644

Gene symbols used follow HGCN guidelines: Gray KA, Yates B, Seal RL, Wright MW, Bruford EA. Nucleic Acids Res. 2015 Jan 43(Database issue):D1079-85.

TWIST is the default chemistry for all WES samples. Agilent V5 was the default chemistry until Q3 2021.

Median Coverage describes the average number of reads seen across 50 exomes.

Covered 10x describes the percentage of a gene's coding sequence that is covered at least 10x.

Covered 20x describes the percentage of a gene's coding sequence that is covered at least 20x.

Genes with no value for coverage are non protein coding genes.

Non protein coding genes are covered, but as coverage statistics are based on protein coding regions, statistics could not be generated.

OMIM release used for OMIM disease identifiers and descriptions: September 1st, 2021.

[EAS.GenProductCoverage.pdf.footer.ad01](#)