

WES SKIN DISORDERS¹ DG 3.6

<i>Gene</i>	<i>Median coverage</i>	<i>% covered >10x</i>	<i>% covered >20x</i>	<i>OMIM disease ID</i>
AAAS	138.0	100.0	100.0	231550
AAGAB	156.1	100.0	100.0	148600
ABCA12	147.3	100.0	100.0	242500
ABCB6	123.2	100.0	100.0	614497
ABCC6	122.3	100.0	100.0	614473
ABCC9	149.5	100.0	100.0	614050
ABHD5	148.3	100.0	100.0	275630
ACD	120.5	100.0	100.0	616553
ACTA2	147.4	99.9	99.1	611788
ACTB	238.4	100.0	100.0	-
ACVRL1	127.1	100.0	100.0	600376
ADA2	128.9	100.0	100.0	182410
ADAM10	140.5	100.0	100.0	615537
ADAM17	138.8	100.0	100.0	614328
ADAMTS10	139.7	100.0	100.0	277600
ADAMTS17	129.5	100.0	100.0	613195
ADAMTS2	134.8	97.9	97.9	225410
ADAMTS3	137.8	99.3	98.7	-
ADAMTSL2	95.1	100.0	99.7	231050
ADAR	130.7	100.0	100.0	615010
AGA	151.1	100.0	100.0	208400
AGPAT2	121.5	100.0	100.0	608594
AIRE	133.8	100.0	100.0	240300
AKT1	130.3	100.0	100.0	114480
AKT3	152.0	100.0	99.9	603387

ALAD	120.5	100.0	100.0	612740
ALAS2	87.0	100.0	99.8	300751
ALDH18A1	131.6	100.0	100.0	219150
ALDH3A2	137.0	93.5	93.5	270200
ALDOB	129.9	100.0	100.0	229600
ALOX12B	131.8	100.0	100.0	242100
ALOXE3	125.6	100.0	100.0	606545
ALPL	121.5	100.0	100.0	146300
ALX4	126.2	100.0	100.0	613451
AMELX	147.0	100.0	100.0	301200
ANGPT2	133.5	100.0	100.0	619369
ANKRD11	122.6	100.0	100.0	148050
ANOS1	102.3	100.0	99.8	308700
ANTXR1	131.4	100.0	99.8	230740
ANTXR2	154.6	100.0	100.0	228600
AP1B1	115.2	100.0	100.0	-
AP1S3	144.7	90.6	90.6	616106
AP3B1	148.8	100.0	100.0	608233
APC	147.1	100.0	100.0	175100
APCDD1	131.4	100.0	100.0	605389
AQP5	133.5	100.0	100.0	600231
ARHGAP31	131.2	100.0	100.0	100300
ARID1A	121.2	100.0	100.0	614607
ARID1B	128.3	98.6	98.3	614562
ASIP	150.9	100.0	100.0	611742
ASL	121.2	100.0	100.0	207900
ASPRV1	125.2	100.0	100.0	-
ASXL1	133.0	100.0	100.0	605039
ASXL3	140.3	100.0	100.0	615485
ATIC	139.2	100.0	100.0	608688

ATP2A2	132.1	100.0	100.0	101900
ATP2C1	150.3	100.0	99.9	169600
ATP6V0A2	136.9	100.0	100.0	219200
ATP7A	107.5	100.0	100.0	309400
ATR	147.5	100.0	100.0	614564
AXIN2	137.9	100.0	100.0	114500
B3GALT6	120.2	99.9	98.0	615349
B4GALT7	120.5	100.0	100.0	130070
BANF1	98.8	100.0	100.0	614008
BAP1	123.5	100.0	100.0	614327
BCOR	94.2	100.0	99.8	300166
BCS1L	133.1	100.0	100.0	262000
BLM	142.4	100.0	100.0	210900
BLOC1S3	184.0	100.0	100.0	614077
BLOC1S6	151.7	100.0	100.0	614171
BMS1	125.9	100.0	100.0	107600
BRAF	139.7	100.0	100.0	211980
BRIP1	154.4	100.0	100.0	114480
BSCL2	125.5	100.0	100.0	269700
BTD	121.2	94.4	94.3	253260
C1QA	125.2	100.0	100.0	613652
C1QB	113.5	100.0	100.0	613652
C1QC	125.6	100.0	100.0	613652
C2CD3	127.8	96.0	96.0	615948
CA2	150.3	100.0	100.0	259730
CAPN12	120.7	100.0	100.0	-
CARD11	122.6	100.0	100.0	617638
CARD14	121.8	100.0	100.0	173200
CARD9	136.4	100.0	100.0	212050
CARMIL2	127.2	100.0	100.0	618131

CASP14	127.7	100.0	100.0	617320
CAST	147.6	100.0	100.0	616295
CAV1	139.1	100.0	100.0	612526
CAVIN1	119.8	100.0	100.0	613327
CBL	127.1	100.0	100.0	613563
CBS	179.7	100.0	100.0	236200
CCBE1	126.1	100.0	100.0	235510
CD151	130.1	100.0	100.0	609057
CDAN1	139.2	100.0	100.0	224120
CDH3	128.4	100.0	100.0	225280
CDK4	153.8	100.0	100.0	609048
CDKN2A	190.0	100.0	100.0	155755
CDSN	121.5	100.0	100.0	146520
CELSR1	130.0	100.0	100.0	-
CERS3	142.5	100.0	100.0	615023
CHKB	137.9	100.0	100.0	602541
CHST14	124.8	100.0	100.0	601776
CHST8	127.2	100.0	100.0	616265
CHSY1	139.8	99.9	99.7	605282
CHUK	148.5	100.0	100.0	613630
CIB1	130.9	100.0	100.0	-
CKAP2L	147.1	100.0	100.0	272440
CLDN1	135.6	100.0	100.0	607626
CLDN10	156.9	100.0	100.0	617671
CNNM4	119.7	100.0	100.0	217080
COL14A1	139.9	100.0	100.0	-
COL17A1	128.9	100.0	100.0	226650
COL1A2	144.6	100.0	100.0	225320
COL3A1	146.7	100.0	100.0	130020
COL5A1	121.9	100.0	100.0	130000

COL5A2	145.7	100.0	100.0	130000
COL7A1	119.2	100.0	100.0	226600
COX4I2	121.0	100.0	100.0	612714
COX7B	111.1	100.0	99.9	300887
CPOX	152.0	100.0	100.0	121300
CST6	113.4	100.0	100.0	-
CSTA	164.3	100.0	100.0	607936
CTC1	120.1	100.0	100.0	612199
CTSA	129.7	100.0	100.0	256540
CTSB	124.9	100.0	100.0	-
CTSC	145.7	100.0	100.0	245010
CXCR4	130.1	100.0	100.0	193670
CYLD	147.9	100.0	100.0	605041
CYP26C1	146.4	100.0	100.0	614974
CYP4F22	131.1	100.0	100.0	604777
DCAF17	152.7	100.0	100.0	241080
DCLRE1C	154.6	100.0	100.0	603554
DDB2	124.3	100.0	100.0	278740
DHCR7	129.7	100.0	100.0	270400
DKC1	105.8	100.0	100.0	305000
DLX3	127.7	100.0	100.0	104510
DLX5	129.1	100.0	100.0	220600
DOCK6	123.3	100.0	100.0	614219
DOCK8	126.5	100.0	100.0	243700
DOLK	113.9	100.0	100.0	610768
DSC2	147.4	100.0	100.0	610476
DSC3	148.1	100.0	100.0	613102
DSE	145.4	100.0	100.0	615539
DSG1	146.6	100.0	100.0	148700
DSG3	140.9	100.0	100.0	-

DSG4	142.9	100.0	100.0	607903
DSP	135.3	100.0	100.0	607450
DSPP	249.2	100.0	100.0	605594
DST	145.7	100.0	100.0	615425
DTNBP1	125.3	100.0	100.0	614076
DUSP6	124.9	100.0	100.0	615269
EBP	99.4	100.0	100.0	302960
ECM1	104.6	100.0	100.0	247100
EDA	108.9	100.0	99.6	305100
EDAR	131.8	100.0	100.0	129490
EDARADD	140.1	100.0	100.0	614940
EDN3	164.5	100.0	100.0	209880
EDNRA	137.2	100.0	100.0	157300
EDNRB	148.0	100.0	100.0	600501
EFEMP2	133.5	100.0	100.0	614437
EFNB1	100.5	100.0	99.9	304110
EIF2AK3	145.8	100.0	100.0	226980
ELN	132.1	100.0	100.0	123700
ELOVL1	125.5	100.0	100.0	-
ELOVL4	151.2	100.0	100.0	614457
ENAM	146.6	100.0	100.0	104500
ENG	119.1	100.0	100.0	187300
ENPP1	141.1	100.0	99.7	208000
EPG5	129.6	100.0	100.0	242840
EPHB4	131.7	100.0	100.0	617300
EPS8L3	123.4	100.0	100.0	-
ERCC2	127.7	100.0	100.0	610756
ERCC3	133.3	100.0	100.0	601675
ERCC4	143.3	100.0	100.0	615272
ERCC5	144.3	100.0	100.0	278780

ERCC6	143.9	100.0	100.0	214150
ERCC8	157.3	100.0	100.0	216400
EVC	124.3	100.0	99.9	225500
EVC2	131.6	100.0	100.0	225500
EXPH5	148.8	100.0	100.0	615028
F13A1	136.3	100.0	100.0	-
FAM111B	161.6	100.0	100.0	615704
FAM20A	128.9	100.0	100.0	614253
FAM20C	131.1	100.0	100.0	259775
FAM83G	131.7	100.0	100.0	-
FAM83H	142.8	100.0	100.0	130900
FANCA	134.3	100.0	100.0	227650
FANCB	117.5	100.0	100.0	300514
FANCC	147.7	100.0	100.0	227645
FANCD2	148.9	100.0	100.0	227646
FANCE	134.7	100.0	100.0	600901
FANCF	135.7	100.0	100.0	603467
FANCG	122.6	100.0	100.0	614082
FANCI	145.9	100.0	100.0	609053
FANCL	164.1	100.0	100.0	614083
FANCM	150.0	100.0	100.0	614087
FAT4	148.3	99.9	99.8	615546
FBLN5	117.6	91.8	91.8	614434
FDPS	153.0	100.0	100.0	616631
FECH	140.8	100.0	100.0	177000
FERMT1	132.0	100.0	100.0	173650
FGF10	159.0	99.9	99.3	180920
FGF23	131.4	100.0	100.0	193100
FGF3	124.1	100.0	100.0	610706
FGF5	144.3	100.0	100.0	190330

FGF8	128.5	100.0	100.0	612702
FGFR1	125.7	100.0	100.0	147950
FGFR2	138.1	100.0	100.0	207410
FGFR3	140.9	100.0	100.0	100800
FH	143.5	100.0	100.0	606812
FKBP10	128.1	100.0	100.0	610968
FKBP14	129.9	100.0	100.0	614557
FLCN	122.3	100.0	100.0	135150
FLG	269.5	100.0	100.0	146700
FLG2	227.1	100.0	100.0	-
FLT4	125.0	100.0	100.0	602089
FNIP1	145.8	100.0	100.0	190340
FOXC2	160.7	100.0	100.0	153400
FOXE1	151.1	100.0	100.0	241850
FOXN1	142.3	100.0	100.0	601705
FOXP3	100.9	100.0	99.9	304790
FREM1	136.0	100.0	100.0	608980
FUCA1	128.6	100.0	100.0	230000
FZD6	149.8	100.0	100.0	614157
GALNS	128.8	100.0	100.0	253000
GALNT3	165.9	100.0	100.0	211900
GAN	136.8	100.0	100.0	256850
GATA2	129.9	100.0	100.0	614172
GDF2	120.2	100.0	100.0	615506
GDF5	121.1	100.0	100.0	228900
GGCX	139.6	100.0	100.0	610842
GJA1	163.4	100.0	100.0	600309
GJB2	149.1	100.0	100.0	149200
GJB3	142.5	100.0	100.0	612644
GJB4	130.8	100.0	100.0	133200

GJB6	137.1	100.0	100.0	612643
GJC2	108.5	99.8	98.7	608804
GLA	95.1	90.9	90.9	301500
GLB1	132.0	100.0	100.0	230500
GLMN	160.9	100.0	100.0	138000
GMPPA	127.6	100.0	100.0	615510
GNA11	132.5	100.0	100.0	615361
GNA14	126.6	100.0	100.0	-
GNAQ	123.7	100.0	99.9	163000
GNAS	123.3	100.0	99.6	102200
GORAB	143.5	100.0	100.0	231070
GPNMB	129.2	95.1	95.1	-
GPR143	95.8	100.0	99.9	300814
GRHL2	131.5	100.0	100.0	608641
GRHL3	119.5	100.0	100.0	606713
GSN	129.9	100.0	100.0	105120
GTF2E2	132.3	100.0	100.0	-
GTF2H5	100.1	70.4	70.3	601675
HCCS	109.1	100.0	100.0	309801
HDAC8	105.5	97.6	97.2	300882
HERC2	135.5	100.0	99.9	615516
HLCS	126.9	100.0	100.0	253270
HMBS	128.6	100.0	100.0	176000
HMGB3	107.1	100.0	99.9	300915
HOXC13	111.1	100.0	100.0	614931
HPGD	155.3	100.0	100.0	259100
HPS1	136.7	100.0	100.0	203300
HPS3	147.0	100.0	100.0	614072
HPS4	133.6	100.0	100.0	614073
HPS5	138.5	100.0	100.0	614074

HPS6	126.4	100.0	100.0	614075
HR	132.4	100.0	100.0	203655
HRAS	157.5	100.0	100.0	218040
HTRA1	110.5	100.0	100.0	600142
HYAL1	118.6	100.0	100.0	601492
IDUA	149.2	100.0	100.0	607014
IFT122	133.2	100.0	100.0	218330
IFT43	133.8	100.0	100.0	614099
IKBKG	91.0	99.9	98.4	300291
IL17RA	127.3	100.0	100.0	613953
IL17RD	125.0	100.0	100.0	615267
IL1RN	144.5	100.0	100.0	612852
IL31RA	138.4	100.0	100.0	613955
IL36RN	125.8	100.0	100.0	614204
INSR	117.2	100.0	100.0	610549
IRF4	130.0	100.0	100.0	254500
IRF6	126.8	100.0	100.0	608864
ISG15	156.1	100.0	100.0	616126
ITGA3	118.0	100.0	100.0	614748
ITGA6	141.7	100.0	100.0	226730
ITGB4	119.9	100.0	100.0	131800
ITGB6	138.4	100.0	100.0	616221
JUP	117.6	100.0	100.0	611528
KANK2	129.2	100.0	100.0	616099
KAT6B	137.4	100.0	100.0	606170
KCNH1	124.4	98.5	98.5	611816
KCNK9	115.6	100.0	100.0	612292
KDF1	108.4	100.0	100.0	617337
KDSR	148.6	100.0	100.0	617526
KIF11	142.2	100.0	100.0	152950

KIT	150.1	100.0	100.0	606764
KITLG	158.1	100.0	99.3	145250
KLF4	149.3	100.0	100.0	-
KLHL24	142.4	100.0	100.0	617294
KLK4	130.8	100.0	100.0	204700
KLLN	130.6	100.0	100.0	615107
KMT2D	124.8	100.0	100.0	147920
KRAS	161.6	100.0	100.0	109800
KRT1	144.6	100.0	100.0	113800
KRT10	154.3	100.0	100.0	113800
KRT13	173.5	100.0	100.0	193900
KRT14	192.6	100.0	100.0	125595
KRT16	184.6	100.0	100.0	167200
KRT17	180.4	100.0	100.0	167210
KRT2	131.9	100.0	100.0	146800
KRT4	133.6	100.0	100.0	193900
KRT5	161.4	100.0	100.0	179850
KRT6A	194.9	100.0	100.0	167200
KRT6B	212.1	100.0	100.0	167210
KRT6C	172.0	99.9	99.7	615735
KRT71	151.5	100.0	100.0	615896
KRT74	142.7	100.0	100.0	613981
KRT75	158.3	100.0	100.0	612318
KRT81	206.7	100.0	100.0	158000
KRT82	133.7	100.0	100.0	104000
KRT83	211.3	100.0	100.0	158000
KRT85	178.7	100.0	100.0	602032
KRT86	222.3	100.0	100.0	158000
KRT9	132.0	100.0	100.0	144200
LAMA3	137.5	100.0	100.0	226650

LAMB3	125.9	100.0	100.0	226700
LAMC2	122.6	100.0	100.0	226700
LAMTOR2	144.1	100.0	100.0	610798
LDHA	139.4	100.0	100.0	612933
LDLRAP1	121.4	100.0	100.0	603813
LEMD3	143.7	100.0	100.0	166700
LIPH	133.9	100.0	100.0	604379
LIPN	145.8	100.0	100.0	613943
LMBRD1	155.6	100.0	99.8	277380
LMNA	136.0	100.0	100.0	115200
LMX1B	137.3	100.0	100.0	161200
LONP1	127.2	100.0	100.0	600373
LORICRIN	192.5	100.0	100.0	604117
LPAR6	156.6	100.0	99.8	278150
LPIN2	134.5	100.0	100.0	609628
LRMDA	141.5	97.8	97.8	615179
LSS	129.2	100.0	100.0	-
LTBP3	152.1	100.0	100.0	613097
LTBP4	132.6	100.0	100.0	613177
LTV1	150.0	100.0	100.0	-
LYST	142.7	100.0	99.8	214500
LYZ	165.5	100.0	100.0	105200
MAP2K1	137.0	100.0	100.0	615279
MAP2K2	132.0	100.0	100.0	615280
MBTPS2	116.7	100.0	100.0	308205
MDFIC	143.0	100.0	99.5	620014
MED12	99.8	100.0	99.8	309520
MEFV	128.2	96.1	96.1	134610
MGP	152.5	100.0	100.0	245150
MITF	137.1	99.9	99.7	103500

MLH1	138.5	100.0	100.0	609310
MLPH	123.3	100.0	100.0	609227
MMACHC	118.6	100.0	100.0	277400
MMP14	118.7	100.0	100.0	277950
MMP2	127.2	100.0	100.0	259600
MMP20	131.3	100.0	100.0	612529
MPLKIP	162.8	100.0	100.0	234050
MRE11	155.3	100.0	100.0	604391
MSH2	145.6	100.0	100.0	120435
MSX1	126.3	100.0	100.0	189500
MTOR	118.8	100.0	100.0	-
MUTYH	129.1	100.0	100.0	608456
MVD	132.6	100.0	100.0	614714
MVK	125.9	90.4	90.4	260920
MYH8	177.9	100.0	100.0	608837
MYO5A	136.3	100.0	100.0	214450
NAA10	101.9	100.0	100.0	300855
NAGA	116.0	100.0	100.0	609242
NBAS	144.1	100.0	99.9	614800
NCF1	111.0	100.0	99.6	233700
NCSTN	121.0	100.0	100.0	142690
NDUFB11	78.7	99.7	97.9	309801
NECTIN1	121.6	100.0	100.0	225060
NECTIN4	125.2	100.0	100.0	613573
NEK11	146.9	100.0	99.9	-
NEK9	132.0	100.0	100.0	-
NF1	147.4	100.0	100.0	607785
NFKBIA	136.3	100.0	100.0	612132
NHP2	118.6	100.0	100.0	613987
NIPAL4	142.0	100.0	100.0	612281

NIPBL	151.6	100.0	100.0	122470
NLRP1	115.9	100.0	100.0	615225
NLRP12	113.9	100.0	100.0	611762
NLRP3	124.2	100.0	100.0	607115
NME1	141.5	100.0	100.0	256700
NOD2	126.3	100.0	100.0	186580
NOP10	131.5	100.0	100.0	224230
NOTCH1	130.3	100.0	100.0	109730
NRAS	139.4	100.0	100.0	614470
NSD1	126.6	100.0	100.0	130650
NSDHL	93.7	100.0	99.9	308050
OCA2	145.7	100.0	100.0	203200
ODAM	151.5	100.0	99.8	614832
ODAPH	154.5	100.0	100.0	614832
OFD1	111.2	100.0	100.0	300804
OSMR	146.2	100.0	100.0	105250
PADI3	128.0	100.0	100.0	191480
PAH	135.4	100.0	100.0	261600
PALB2	136.3	100.0	100.0	610832
PAX3	127.0	100.0	99.8	122880
PAX9	152.7	100.0	100.0	604625
PCNA	128.5	100.0	100.0	615919
PDGFB	127.0	100.0	100.0	607807
PDGFRB	124.3	100.0	100.0	615007
PEPD	129.2	100.0	100.0	170100
PERP	120.3	100.0	100.0	-
PEX7	139.0	91.2	91.2	614879
PHEX	108.8	99.9	99.2	307800
PHGDH	136.5	100.0	100.0	601815
PHYH	144.6	100.0	100.0	266500

PIEZO1	129.4	100.0	100.0	194380
PIGA	108.6	100.0	100.0	300868
PIGN	152.5	100.0	99.9	614080
PIGV	128.7	100.0	100.0	239300
PIK3CA	150.5	100.0	100.0	114480
PITX2	113.7	100.0	100.0	180500
PKP1	121.1	100.0	100.0	604536
PLCD1	131.1	100.0	100.0	151600
PLCG2	124.1	100.0	100.0	614878
PLEC	137.6	100.0	100.0	612138
PLG	143.0	100.0	100.0	217090
PLIN1	118.4	100.0	100.0	613877
PLOD1	111.4	100.0	100.0	225400
PLOD3	117.6	100.0	100.0	-
PMS2	132.9	100.0	100.0	614337
PMVK	126.0	100.0	100.0	175800
PNPLA1	123.9	100.0	99.9	615024
PNPLA2	162.3	100.0	100.0	610717
POC1A	118.3	100.0	100.0	614813
POFUT1	131.4	100.0	100.0	615327
POGLUT1	144.3	100.0	100.0	615696
POLD1	133.4	100.0	100.0	615381
POLH	123.0	100.0	100.0	278750
POLR1C	117.4	83.3	83.2	248390
POLR1D	139.2	100.0	100.0	613717
POLR3A	123.2	100.0	100.0	607694
POLR3B	141.2	100.0	99.9	614381
POMC	149.8	100.0	100.0	609734
POMP	146.0	100.0	100.0	601952
PORCN	88.6	100.0	99.8	305600

POT1	156.3	100.0	100.0	615848
PPOX	135.1	100.0	100.0	176200
PQBP1	97.4	100.0	100.0	309500
PRDM10	125.3	100.0	100.0	-
PRKAR1A	148.3	100.0	100.0	101800
PSEN1	140.7	100.0	100.0	613737
PSENN	115.5	100.0	100.0	613736
PSMB8	140.9	100.0	100.0	256040
PSTPIP1	113.5	100.0	100.0	604416
PTCH1	125.9	100.0	100.0	605462
PTCH2	122.3	100.0	100.0	605462
PTDSS1	131.2	100.0	100.0	151050
PTEN	148.9	100.0	100.0	153480
PTHLH	145.1	100.0	100.0	613382
PTPN11	144.8	100.0	100.0	151100
PTPN14	134.1	100.0	100.0	613611
PTPRF	128.1	100.0	100.0	616001
PYCR1	145.4	100.0	100.0	612940
RAB23	150.9	100.0	100.0	201000
RAB27A	137.5	100.0	100.0	607624
RAD21	145.4	100.0	100.0	614701
RAD50	147.8	100.0	100.0	613078
RAF1	133.3	100.0	100.0	611554
RAG1	140.9	100.0	100.0	609889
RAG2	151.3	100.0	100.0	233650
RAI1	122.6	100.0	100.0	182290
RBBP8	149.9	100.0	100.0	251255
RBM28	130.0	100.0	100.0	612079
RBP4	141.9	100.0	100.0	615147
RBPJ	157.0	100.0	100.0	614814

RECQL4	130.2	100.0	100.0	218600
RHBDF2	125.0	100.0	100.0	148500
RHOA	103.6	80.3	80.3	-
RIN2	123.8	100.0	100.0	613075
RIPK4	136.5	100.0	100.0	263650
RMRP				607095
RNASEH2A	131.4	100.0	100.0	610333
RNASEH2B	146.8	91.4	91.4	610181
RNASEH2C	147.6	100.0	100.0	610329
RNU4ATAC				210710
ROGDI	133.7	100.0	100.0	226750
RPL21	140.5	100.0	100.0	615885
RSPO1	107.4	100.0	100.0	610644
RSPO4	134.8	100.0	100.0	206800
RTEL1	126.6	100.0	100.0	615190
RUNX2	155.9	100.0	100.0	119600
SAMD9	158.3	100.0	100.0	610455
SAMHD1	149.8	100.0	100.0	612952
SART3	125.1	100.0	100.0	175900
SASH1	125.7	100.0	100.0	-
SAT1	112.7	100.0	100.0	308800
SATB2	134.0	100.0	99.7	119540
SCN10A	127.9	100.0	100.0	613863
SCN11A	136.5	100.0	99.9	613863
SCN9A	157.6	100.0	99.9	613863
SDR9C7	118.3	100.0	100.0	617574
SEC23B	134.0	100.0	100.0	224100
SERPINA12	133.2	100.0	100.0	-
SERPINA3	107.6	100.0	100.0	-
SERPINB7	142.8	100.0	100.0	615598

SERPINB8	133.0	100.0	100.0	617115
SERPING1	150.2	100.0	100.0	106100
SERPINH1	137.9	100.0	100.0	613848
SGPL1	133.8	100.0	100.0	617575
SHOC2	151.1	100.0	100.0	607721
SKI	122.2	100.0	99.9	182212
SKIV2L	124.3	100.0	100.0	614602
SLC17A9	124.0	100.0	100.0	616063
SLC24A4	128.4	100.0	100.0	615887
SLC24A5	164.4	100.0	99.6	113750
SLC26A2	155.7	100.0	100.0	600972
SLC27A4	125.0	100.0	100.0	608649
SLC29A3	116.6	100.0	100.0	602782
SLC2A10	142.7	100.0	100.0	208050
SLC39A13	148.9	100.0	100.0	612350
SLC39A4	137.5	100.0	100.0	201100
SLC45A2	131.2	100.0	100.0	606574
SLC4A4	141.9	100.0	99.7	604278
SLC6A19	123.1	100.0	100.0	234500
SLC7A7	127.2	100.0	100.0	222700
SLCO2A1	115.4	100.0	100.0	614441
SLURP1	108.5	100.0	100.0	248300
SLX4	125.5	100.0	100.0	613951
SMAD3	141.0	100.0	100.0	613795
SMARCA2	139.2	100.0	99.8	601358
SMARCA4	125.2	100.0	100.0	614609
SMARCAD1	155.1	100.0	100.0	136000
SMARCAL1	134.2	100.0	100.0	242900
SMARCB1	118.8	100.0	100.0	614608
SMO	120.0	100.0	100.0	-

SMOC2	129.9	100.0	100.0	125400
SNAI2	150.3	100.0	100.0	172800
SNAP29	135.2	100.0	100.0	609528
SNRPE	148.5	100.0	100.0	615059
SNX10	148.0	100.0	100.0	615085
SOS1	145.6	100.0	100.0	135300
SOX10	142.9	100.0	100.0	609136
SOX18	148.2	99.8	98.8	607823
SOX2	135.3	100.0	100.0	206900
SP7	117.3	100.0	100.0	613849
SPINK5	144.2	100.0	100.0	147050
SPINT2	113.4	100.0	100.0	270420
SPRED1	146.7	100.0	100.0	611431
SPRY4	114.1	100.0	100.0	615266
SRD5A3	139.1	100.0	100.0	612379
SREBF1	137.0	100.0	100.0	619016
ST14	119.3	100.0	100.0	610765
ST3GAL5	127.4	98.3	98.3	609056
STAMBP	137.1	100.0	100.0	614261
STAT3	132.6	100.0	100.0	147060
STAT5B	128.5	100.0	100.0	245590
STIM1	132.3	100.0	100.0	612783
STING1	110.6	100.0	100.0	615934
STK11	157.7	100.0	100.0	175200
STK4	138.6	100.0	100.0	614868
STS	95.7	96.9	96.5	308100
SUFU	121.5	100.0	100.0	155255
SULT2B1	116.5	100.0	100.0	-
SUMF1	133.3	100.0	100.0	272200
TALDO1	122.3	100.0	100.0	606003

TAP1	137.0	100.0	100.0	604571
TAP2	130.3	100.0	100.0	604571
TAPBP	116.9	95.9	95.9	604571
TAT	132.0	100.0	100.0	276600
TBC1D24	137.9	100.0	100.0	615338
TBX3	149.6	100.0	100.0	181450
TCHH	188.2	100.0	100.0	617252
TCIRG1	162.3	100.0	100.0	259700
TEK	130.4	100.0	99.9	600195
TERC				127550
TERF2IP	124.0	99.7	96.0	-
TERT	156.5	100.0	100.0	613989
TFAP2A	131.0	100.0	100.0	113620
TGFB2	136.9	100.0	100.0	614816
TGFBR1	143.0	100.0	100.0	609192
TGFBR2	135.7	100.0	100.0	614331
TGM1	123.9	100.0	100.0	242300
TGM3	118.8	100.0	100.0	617251
TGM5	132.4	100.0	100.0	609796
TINF2	124.5	100.0	100.0	613990
TMC6	143.4	100.0	100.0	226400
TMC8	147.4	100.0	100.0	226400
TMEM165	139.6	100.0	100.0	614727
TNFRSF11A	146.0	100.0	99.6	174810
TNFRSF11B	149.6	100.0	100.0	239000
TNFRSF1A	128.8	92.5	92.5	142680
TNFSF11	144.1	100.0	100.0	259710
TNXB	166.8	100.0	100.0	130020
TP63	125.4	100.0	99.9	103285
TPCN2	119.4	100.0	100.0	612267

TREX1	142.6	100.0	100.0	225750
TRIM32	121.3	100.0	100.0	209900
TRIM37	137.1	98.3	98.3	253250
TRPM4	136.4	100.0	100.0	-
TRPS1	139.6	100.0	99.9	190350
TRPV3	120.1	100.0	100.0	614594
TSC1	125.8	100.0	100.0	607341
TSC2	134.8	100.0	100.0	606690
TSPEAR	124.2	100.0	100.0	614861
TTC37	151.1	100.0	100.0	222470
TTI2	114.6	100.0	100.0	615541
TWIST2	142.6	100.0	100.0	227260
TYR	145.5	100.0	99.9	203100
TYRP1	147.6	100.0	100.0	203290
UBE2A	101.4	100.0	100.0	300860
UBR1	140.0	98.0	98.0	243800
UROD	133.6	100.0	100.0	176100
UROS	160.6	100.0	100.0	263700
USB1	132.2	100.0	100.0	604173
UVSSA	114.3	100.0	100.0	614640
VDR	136.0	100.0	100.0	277440
VEGFC	142.1	100.0	100.0	615907
VHL	147.2	100.0	100.0	263400
VPS13B	138.4	99.6	99.2	216550
VPS33B	128.9	100.0	100.0	208085
WAS	85.1	100.0	98.8	300299
WDR19	140.1	100.0	100.0	614376
WDR35	142.1	100.0	100.0	613610
WDR72	143.8	96.8	96.8	613211
WIPF1	131.4	100.0	100.0	614493

WNT10A	145.6	100.0	100.0	257980
WNT10B	124.7	100.0	100.0	225300
WNT5A	134.5	100.0	100.0	180700
WNT7A	124.5	100.0	100.0	228930
WRAP53	132.0	100.0	100.0	613988
WRN	149.0	100.0	100.0	277700
XPA	180.2	100.0	100.0	278700
XPC	129.7	100.0	100.0	278720
XYLT1	119.8	100.0	99.8	264800
XYLT2	118.1	99.9	99.2	264800
YWHAZ	155.3	100.0	100.0	-
ZBTB20	130.3	100.0	100.0	259050
ZMPSTE24	152.4	100.0	100.0	608612
ZNF469	129.8	100.0	100.0	229200
ZNF592	121.4	100.0	100.0	606937
ZNF750	123.9	100.0	100.0	610227

Gene symbols used follow HGCN guidelines: Gray KA, Yates B, Seal RL, Wright MW, Bruford EA. Nucleic Acids Res. 2015 Jan 43(Database issue):D1079-85.

TWIST is the default chemistry for all WES samples. Agilent V5 was the default chemistry until Q3 2021.

Median Coverage describes the average number of reads seen across 50 exomes.

Covered 10x describes the percentage of a gene's coding sequence that is covered at least 10x.

Covered 20x describes the percentage of a gene's coding sequence that is covered at least 20x.

Genes with no value for coverage are non protein coding genes.

Non protein coding genes are covered, but as coverage statistics are based on protein coding regions, statistics could not be generated.

OMIM release used for OMIM disease identifiers and descriptions: September 1st, 2021.

Ad 1. "No OMIM phenotype" signifies a gene without a current OMIM association Ad 2. OMIM phenotype descriptions between {} signify risk factors